

Ingénieur de rech. (Bioinfo) - Analyse Données NGS, Onco. Pédiatrique (F-H) (F/H)

LOCALISATION DU POSTE 75005 PARIS, ÎLE-DE-FRANCE 75005

ÉTABLISSEMENT Institut Curie

ENVIRONNEMENT ET CONTEXTE DE TRAVAIL

Notre établissement fait partie de l'Université PSL. Située au cœur de Paris, celle-ci fait dialoguer tous les domaines du savoir, de l'innovation et de la création. Classée parmi les 50 premières universités mondiales, elle forme au plus près de la recherche des chercheurs, artistes, ingénieurs, entrepreneurs ou dirigeants conscients de leur responsabilité sociale, individuelle et collective.

STRUCTURE D'ACCUEIL

L'Institut Curie est un acteur majeur de la recherche et de la lutte contre le cancer. Il est constitué d'un hôpital et d'un Centre de recherche de plus de 1000 collaborateurs avec une forte représentativité internationale.

L'objectif du Centre de recherche de l'institut Curie est de développer la recherche fondamentale et d'utiliser les connaissances produites pour améliorer le diagnostic, le pronostic, la thérapeutique des cancers dans le cadre du continuum entre la recherche fondamentale et l'innovation au service du malade.

MISSION D'ENSEIGNEMENT

L'équipe RTOP, dirigée par le Dr Gudrun Schleiermacher à l'Institut Curie (Paris), recherche un ingénieur de recherche (bio-informaticien), expert en analyses NGS en oncologie pédiatrique et tumeurs rares.

Le candidat devra justifier d'une expérience en recherche oncologique ou en génomique translationnelle du cancer et d'une forte motivation

L'ingénieur de recherche contribuera à l'analyse, à l'intégration et à l'interprétation de jeux de données NGS complexes, principalement issus d'échantillons de patients.

Le candidat retenu intégrera une équipe dynamique, internationale et multidisciplinaire et travaillera en collaboration avec des biologistes, des cliniciens et des bio-informaticiens, contribuant ainsi au développement, à l'optimisation et à la mise en œuvre de flux de travail analytiques et bio-informatiques robustes.

Projet de recherche : Ce projet vise à approfondir la compréhension des mécanismes d'oncogenèse et de la progression tumorale dans les cancers pédiatriques à haut risque et les cancers rares, grâce à l'analyse moléculaire d'échantillons provenant de patients.

Les travaux portent sur l'identification des altérations génétiques associées à la progression tumorale et à la résistance aux traitements, principalement par l'analyse de biopsies liquides (ADN tumoral circulant), et intègrent des approches moléculaires complémentaires, notamment le profilage épigénétique.

L'ingénieur(e) de recherche travaillera en étroite collaboration avec les membres de l'équipe et contribuera à la production, à l'analyse et à l'interprétation des données à l'aide de chaînes de traitement analytiques et bio-informatiques standardisées et validées.

Missions et responsabilités :

- Contribution à l'intégration et à l'analyse de données multi-omiques issues d'échantillons de patients.
- Participation au développement, à l'optimisation et à l'application de nouvelles approches analytiques pour la biopsie liquide.
- Soutien à la mise en œuvre, à la maintenance et à la documentation des flux de travail analytiques et bio-informatiques.
- Veille technologique et bibliographique en oncologie pédiatrique, technologies de séquençage de nouvelle génération (NGS) et méthodologies de biopsie liquide.
- Contribution à l'interprétation des données, à la rédaction des rapports et à la diffusion scientifique, y compris la participation à la préparation des manuscrits et aux communications scientifiques, le cas échéant.

MISSION DE RECHERCHE

COMPÉTENCES ATTENDUES

- Doctorat ou expérience équivalente en oncologie, biologie moléculaire ou cellulaire, biotechnologie.
- Solide expérience en biologie moléculaire et/ou recherche translationnelle, avec d'excellentes compétences en analyse de données quantitatives.
- Connaissance des principales ressources génomiques et transcriptomiques publiques (p. ex., TCGA, GTEx, Human Cell Atlas) est un plus.
- Expérience pratique des outils d'analyse de données et de la programmation (p. ex., Python, R).
- Maîtrise des flux de travail et des formats de données NGS standard (FASTQ, BAM, VCF).
- Capacité à travailler efficacement dans un environnement de recherche collaboratif, multidisciplinaire et international, avec une grande rigueur quant à la qualité et la reproductibilité des données

Toutes nos opportunités sont ouvertes à des personnes en situation de handicap.

Informations sur le contrat

Type de contrat : CDD

Date de démarrage : Dès que possible

Durée du contrat : 18 mois renouvelable

Temps de travail : 39 h

Rémunération : selon les grilles en vigueur

Avantages : Restauration collective, prise en charge du titre de transport annuel à 70%, mutuelle d'entreprise

Localisation du poste : Paris

Contact

Pour postuler, merci d'envoyer CV et lettre de motivation

Date de parution de l'offre : 11/02/2026

Date limite des candidatures : Dès que pourvu

L'Institut Curie est un employeur inclusif respectant l'égalité des chances.

Il s'engage également à appliquer des normes exigeantes en matière d'intégrité de la recherche.

https://euraxess.ec.europa.eu/sites/default/files/brochures/eur_21620_en-fr.pdf

NON DISCRIMINATION, OUVERTURE ET TRANSPARENCE

Notre établissement, comme l'ensemble de l'Université PSL, s'engage à soutenir et promouvoir l'égalité, la diversité et l'inclusion au sein de ses communautés. Nous encourageons les candidatures issues de profils variés, que nous veillerons à sélectionner via un processus de recrutement ouvert et transparent.

CONTACT

ti0opm63c75k@emploi.beetween.com

AUTRES INFORMATIONS

Recherche principal : **Sciences biologiques** Recherche secondaire : **Biologie**
Durée du contrat 18 mois

Expérience souhaitée
1 à 4 années d'expérience (R2) an

Référence
ti0opm63c7

PUBLIÉ LE 28/04/2026

L'Université PSL (Paris Sciences & Lettres)

